

Ornella Bellechamps

Raza: Bulldog Frances FCA: 80483
Sexo: Hembra Microchip: 032093900042165
DOB: 21/02/2019 N Criador: 39865
Color: Atigrado Propietario: Bruno Vignetta

Solicitante: M.V Evelyn Budden
TGA ID: D0646

Recepción de muestra: Abr - 2021
Fecha de Análisis : Jun - 2021

TEST TPO¹

TIPO	DESORDEN	GENOTIPO	STATUS
Mutación Puntual	Hipotiroidismo congénito con bocio (CHG). TPO T>C	N N	NORMAL / CLEAR

El hipotiroidismo congénito con bocio (CHG) es una condición metabólica genética causada por una mutación en el gen de la peroxidasa TPO específica de la tiroides que impide su expresión y la producción de hormonas esenciales.

El hipotiroidismo congénito tipo Bulldog francés (CHG) es un trastorno congénito de la glándula tiroides. En general, el bocio congénito es un agrandamiento de la glándula tiroides. Este agrandamiento puede causar una secreción alterada de la hormona tiroidea. En el hipotiroidismo, la secreción de la hormona tiroidea disminuye, lo que causa muchos síntomas consecuentes.

El hipotiroidismo congénito (CHG) tipo bulldog francés se hereda con un patrón autosómico recesivo. Los heterocigotos no presentan síntomas. Los perros homocigotos para la mutación mostrarán los síntomas de CHG. En el momento de la concepción, cada cachorro tiene un 25% de posibilidades de verse afectado, un 50% de posibilidades de ser portador asintomático y un 25% de posibilidades de no verse afectado y no ser portador.

Posibles resultados genéticos:

N/N NORMAL/CLEAR: Posee dos copias normales del gen TPO. Sin riesgo de desarrollar la enfermedad ni de heredar a su descendencia.

N/P PORTADOR/CARRIER: Posee una copia normal y una copia mutada del gen TPO. Tiene bajo riesgo de desarrollar la enfermedad. Puede pasar el gen mutado a la mitad de su descendencia.

P/P AFECTADO/AFFECTED: Posee dos copias mutadas del gen TPO. Tiene alto riesgo de desarrollar la enfermedad y transmitirá el gen mutado a su descendencia.



Dr. Edgardo
Salvatierra
Director Científico



Med. Vet. Julia Aguerre
MP 13987

¹ Este test está basado en la amplificación de la región del genoma correspondiente a la mutación con posterior secuenciación. Los datos crudos de los ensayos, pueden ser solicitados para ser revisados y explicados bajo supervisión del profesional correspondiente. Los resultados pueden cambiar a medida que se hacen nuevos descubrimientos científicos.